ALIGNMENTS

Sequence Comparison A

RESULT 1
US-09-949-002-512
; Sequence 512, Application US/09949002
; Patent No. 6900016
; GENERAL INFORMATION:
; APPLICANT: VENTER, J. Craig et al.
; TITLE OF INVENTION: POLYMORPHISMS IN KNOWN GENES ASSOCIATED
; TITLE OF INVENTION: WITH INFLAMMATORY AUTOIMMUNE DISEASE, METHODS OF DETECTION
; TITLE OF INVENTION: AND USES THEREOF
; FILE REFERENCE: CL000790
; CURRENT APPLICATION NUMBER: US/09/949,002
; CURRENT FILING DATE: 2000-01-28
; PRIOR APPLICATION NUMBER: 60/231,401
; PRIOR FILING DATE: 2000-09-08
; NUMBER OF SEQ ID NOS: 10823
; SOFTWARE: FastSEQ for Windows Version 4.0
; SEQ ID NO 512
; LENGTH: 802
; TYPE: PRT
; ORGANISM: Human
US-09-949-002-512

Query Match 100.0%; Score 4154; DB 2; Length 802;
Best Local Similarity 100.0%; Pred. No. 0;
Matches 796; Conservative 0; Mismatches 0; Indels 0; Gaps 0;

```
Qy          1 MTKDKEPIVKSFHFVCLMIIIVGTRIQFSDGNEFAVDKSKRGLIHVPKDLPLKTKVLDMS 60
              ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db          7 MTKDKEPIVKSFHFVCLMIIIVGTRIQFSDGNEFAVDKSKRGLIHVPKDLPLKTKVLDMS 66

Qy         61 QNYIAELQVSDMSFLSELTVLRLSHNRIQLLDLSVFKFNQDLEYLDLSHNQLQKISCHPI 120
              ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db         67 QNYIAELQVSDMSFLSELTVLRLSHNRIQLLDLSVFKFNQDLEYLDLSHNQLQKISCHPI 126

Qy        121 VSFRHLDLSFNDFKALPICKEFGNLSQLNFLGLSAMKLQKLDLLPIAHLHLSYILLDLRN 180
              ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db        127 VSFRHLDLSFNDFKALPICKEFGNLSQLNFLGLSAMKLQKLDLLPIAHLHLSYILLDLRN 186

Qy        181 YYIKENETESLQILNAKTLHLVFHPTSLFAIQVNISVNTLGCLQLTNIKLNDDNCQVFIK 240
              ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db        187 YYIKENETESLQILNAKTLHLVFHPTSLFAIQVNISVNTLGCLQLTNIKLNDDNCQVFIK 246

Qy        241 FLSELTRGSTLLNFTLNHIETTWKCLVRVFQFLWPKPVEYLNIYNLTIIESIREEDFTYS 300
              ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db        247 FLSELTRGSTLLNFTLNHIETTWKCLVRVFQFLWPKPVEYLNIYNLTIIESIREEDFTYS 306

Qy        301 KTTLKALTIEHITNQVFLFSQTALYTVFSEMNIMMLTISDTPFIHMLCPHAPSTFKFLNF 360
              ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db        307 KTTLKALTIEHITNQVFLFSQTALYTVFSEMNIMMLTISDTPFIHMLCPHAPSTFKFLNF 366

Qy        361 TQNVFTDSIFEKCSTLVKLETLILQKNGLKDLFKVGLMTKDMPSLEILDVSWNSLESGRH 420
              ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db        367 TQNVFTDSIFEKCSTLVKLETLILQKNGLKDLFKVGLMTKDMPSLEILDVSWNSLESGRH 426

Qy        421 KENCTWVESIVVLNLSSNMLTDSVFRCLPPRIKVLDLHSNKIKSVPKQVVKLEALQELNV 480
              ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db        427 KENCTWVESIVVLNLSSNMLTDSVFRCLPPRIKVLDLHSNKIKSVPKQVVKLEALQELNV 486

Qy        481 AFNSLTDLPGCGSFSSLSVLIIDHNSVSHPSADFFQSCQKMRSIKAGDNPFQCTCELREF 540
              ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db        487 AFNSLTDLPGCGSFSSLSVLIIDHNSVSHPSADFFQSCQKMRSIKAGDNPFQCTCELREF 546

Qy        541 VKNIDQVSSEVLEGWPDSYKCDYPESYRGSPLKDFHMSELSCNITLLIVTIGATMLVLAV 600
              ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db        547 VKNIDQVSSEVLEGWPDSYKCDYPESYRGSPLKDFHMSELSCNITLLIVTIGATMLVLAV 606

Qy        601 TVTSLCIYLDLPWYLRMVCQWTQTRRRARNIPLEELQRNLQFHAFISYSEHDSAWVKSEL 660
              ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db        607 TVTSLCIYLDLPWYLRMVCQWTQTRRRARNIPLEELQRNLQFHAFISYSEHDSAWVKSEL 666

Qy        661 VPYLEKEDIQICLHERNFVPGKSIVENIINCIEKSYKSIFVLSPNFVQSEWCHYELYFAH 720
              ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db        667 VPYLEKEDIQICLHERNFVPGKSIVENIINCIEKSYKSIFVLSPNFVQSEWCHYELYFAH 726
```

```
Qy        721 HNLFHEGSNNLILILLEPIPQNSIPNKYHKLKALMTQRTYLQWPKEKSKRGLFWANIRAA 780
              ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db        727 HNLFHEGSNNLILILLEPIPQNSIPNKYHKLKALMTQRTYLQWPKEKSKRGLFWANIRAA 786

Qy        781 FNMKLTLVTENNDVKS 796
              ||||||||||||||||
Db        787 FNMKLTLVTENNDVKS 802
```